

			
	MiniSeq systém	MiSeq série	NextSeq série
Aplikace a metody	Hlavní aplikace 	Hlavní aplikace 	Hlavní aplikace 
Sekvenování celých genomů (člověk, rostlina, zvíře)			●
Sekvenování malých genomů (mikrob, vir)	●	●	●
Exomové sekvenování			●
Cílené sekvenování genů (amplikon, gen)	●	●	●
Sekvenování celých transkriptomů			●
Profilování genové exprese s mRNA -Seq			●
Cílené profilování genové exprese	●	●	
Analýza miRNA a Small RNA	●	●	●
Analýza interakce DNA-Protein		●	●
Methylační sekvenování			●
16S metagenomika		●	●
Délka sekvence	4-24 hodin	4-55 hodin	12-30 hodin
Max. výstupních dat	7,5 Gb	15 Gb	120 Gb
Max. čtení na běh	25 miliónů	25 miliónů	400 miliónů
Max. délka čtení	2 x 150 bp	2 x 300 bp	2 x 150 bp